

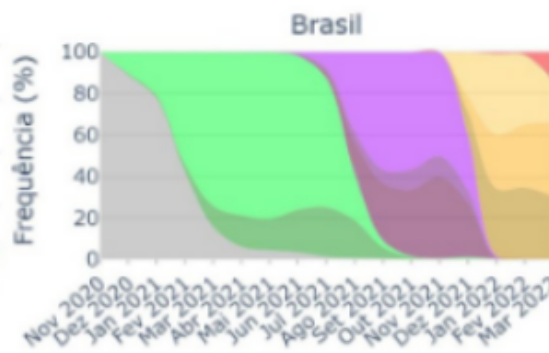
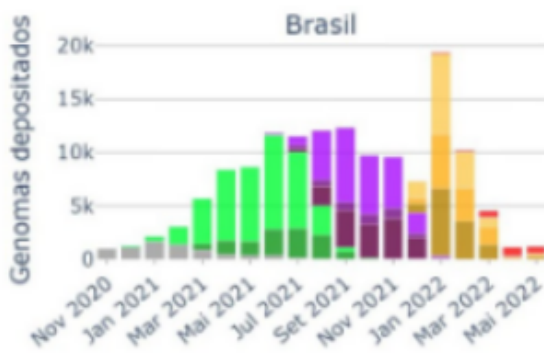


Relatório referente ao período de 20/05 a 02/06 de 2022

Circulação de amostras (Nov/2020-Jun/2022)



possível substituição
da linhagem dominante
BA.1 → BA.2



- BA.5 (Omicron)
- BA.4 (Omicron)
- BA.2 (Omicron)
- BA.2.* (Omicron)
- BA.1 (Omicron)
- BA.1.1 (Omicron)
- BA.1.* (Omicron)
- AY.99.2 (Delta)
- AY.101 (Delta)
- AY.*+B.1.617.2 (Delta)
- P.1 (Gama)
- P.1.* (Gama)
- Outras

Produção da Rede

de Julho de 2021 a Junho de 2022

45.657 genomas em 709 relatórios. **43.197** destes estão depositados no GISAID



27 publicações acadêmicas, entre revisadas por pares, pre-prints e Virological

17 linhagens e variantes do SARS-CoV-2 e uma cepa de Influenza H3N2 disponíveis no biorrepositório da RGF



Linhagens ômicron mais frequentes

BA.1.1 (6.530 genomas)
BA.1.14 (6.064 genomas)
BA.1 (3.827 genomas)
BA.1.15 (3.676 genomas)

Outras linhagens notáveis no período:

BA.4 (6 genomas) BA.5 (13 genomas)

Recombinantes ômicron encontradas

Ômicron BA.1 e BA.2
(XE, XG e XQ)

Ômicron e Delta
(XS e XF)



7 casos confirmados por RT-PCR de coinfeção com os vírus Influenza e SARS-CoV-2



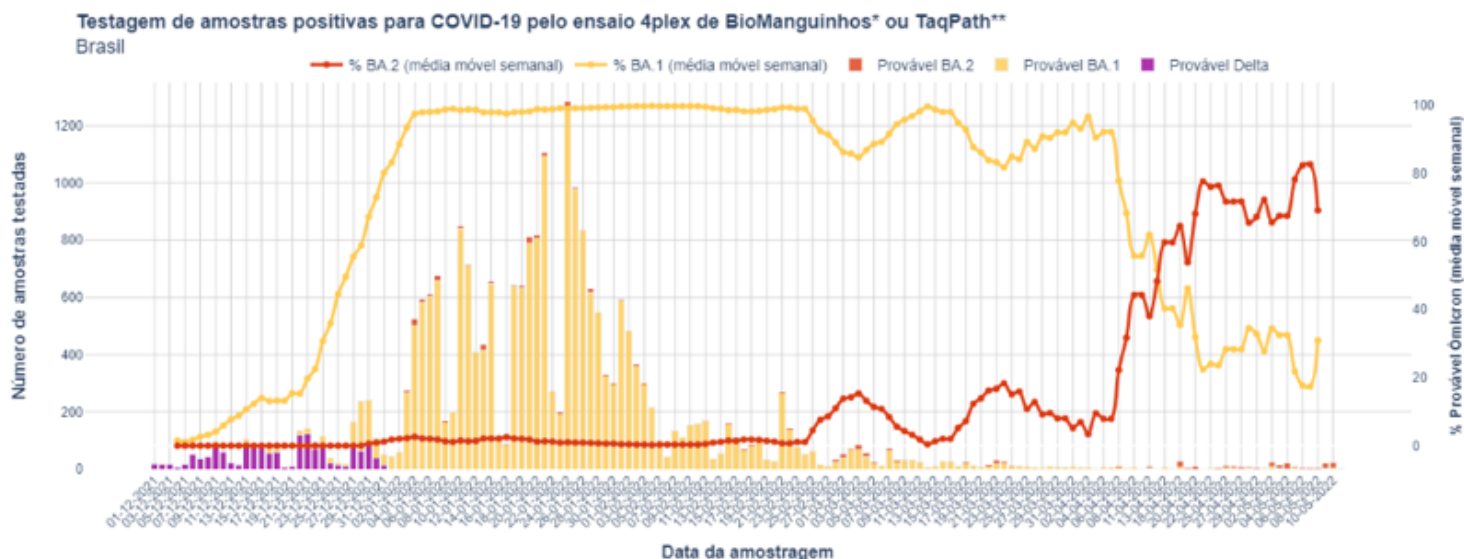
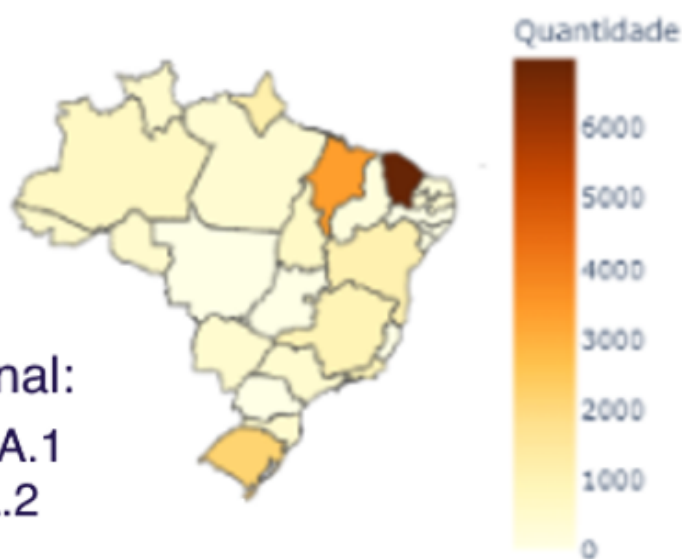
69 casos de reinfeção caracterizados geneticamente, 48 dos quais associados à reinfeção pela VOC Ômicron

Resultados da aplicação de Testes de Inferência de VOCs por metodologia de RT-PCR em Tempo Real

Testes aplicados em 21 Unidades Federativas, entre dezembro de 2021 e 11 de Maio de 2022.

Total de Amostras Triadas:
23.230
em todo o Brasil

Média móvel semanal:
30,9,3% provável BA.1
69,1% provável BA.2



Última data de amostragem: 11/05/2022