

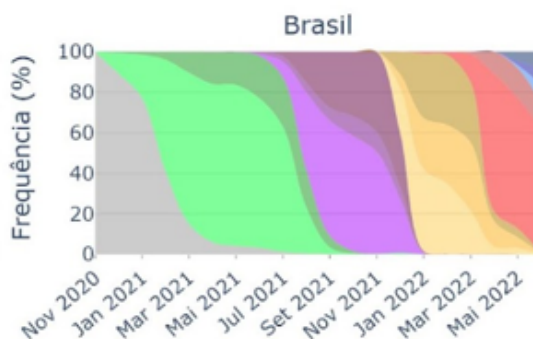
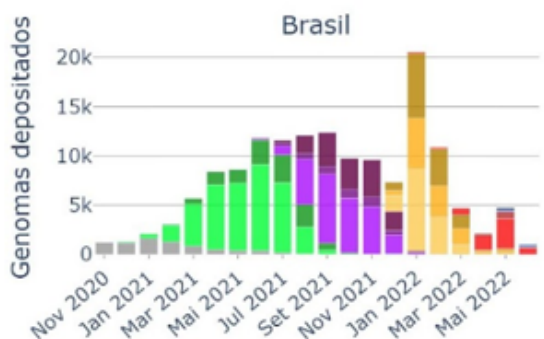


Relatório referente ao período de 17/06 a 30/06 de 2022

Circulação de amostras (Nov/2020-Jun/2022)
(as porcentagens entre parênteses se referem às frequências em Jun/22)



BA.2 ↓ **BA.4 & BA.5** ↑



AY.99.2 (Delta)	: 0 (0.0%)
AY.101 (Delta)	: 0 (0.0%)
B.1.617.2+AY.* (Delta)	: 0 (0.0%)
BA.1 (Omicron)	: 4 (0.2%)
BA.1.1 (Omicron)	: 6 (0.4%)
BA.1.2* (Omicron)	: 2 (0.1%)
BA.2 (Omicron)	: 844 (51.5%)
BA.2.* (Omicron)	: 204 (12.5%)
BA.4 (Omicron)	: 241 (14.7%)
BA.5 (Omicron)	: 158 (9.6%)
BA.5.1 (Omicron)	: 179 (10.9%)
Outras	: 0 (0.0%)
P.1 (Gama)	: 0 (0.0%)
P.1.* (Gama)	: 0 (0.0%)

Produção da Rede Genômica de Março de 2020 a Junho de 2022

48.457 genomas em 754
relatórios (desde Jun/2021).
50.027 genomas depositados
no GISAID em todo
o período



58 publicações acadêmicas,
somando revisadas por
pares, pre-prints e posts
no fórum de especialistas
Virological.Org

* - errata: na última edição deste relatório, deveriam constar
57 publicações, e não 98

18 linhagens, variantes e formas
recombinantes do SARS-CoV-2, e
uma amostra de Influenza H3N2
disponíveis no biorrepositório da RGF



7 casos confirmados por RT-PCR
em tempo real de codeteção dos
vírus SARS-CoV-2 (BA.1) e
Influenza A (H3N2)
A/Darwin/6/2021-like
(eventos de codeteção de diferentes vírus
respiratórios podem ocorrer com frequência)



VOC Ômicron e suas linhagens BA.* mais frequentes no Brasil até 30/06/2022

BA.1 (14.996 genomas)
BA.1.1 (11.006 genomas)
BA.2 (6.297 genomas)

Outras linhagens relevantes no período:
BA.4 (165 genomas) BA.5 (181 genomas)
BA.5.1 (292 genomas) BA.2.12.1 (142 genomas)
XE (4 genomas)



81 casos de reinfecção caracterizados geneticamente
68 dos quais associados à VOC Ômicron
(eventos de reinfecção pelo SARS-CoV-2 podem
ocorrer com frequência, especialmente com a circulação
de VOCs. O número baixo de casos confirmados se
deve à complexidade do processo de confirmação)

770 casos de infecção após a vacinação,
dos quais 580 pacientes se recuperaram
bem, 96 se recuperaram após internação
e 94 tiveram quadro que progrediu a óbito

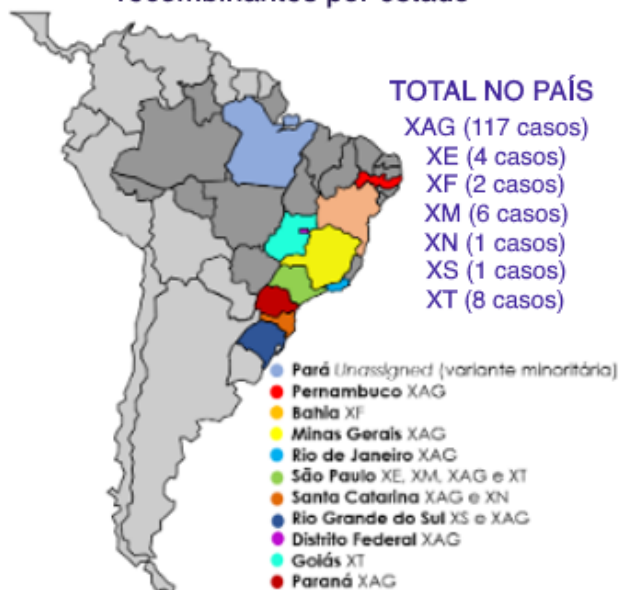


Os casos de infecção de pacientes vacinados
foram associados às linhagens Gama (n = 9),
Delta (n = 230), e Ômicron BA.1/BA.1.* (n = 450),
BA.2/BA.2.* (n = 74), BA.4 (n = 1), BA.5 (n = 6)

(Importante ressaltar que as vacinas vêm cumprindo seu
papel de proteger contra quadros graves. Casos de internação
e óbito podem estar associados a outros fatores como complicações e
comorbidades do indivíduo infectado)

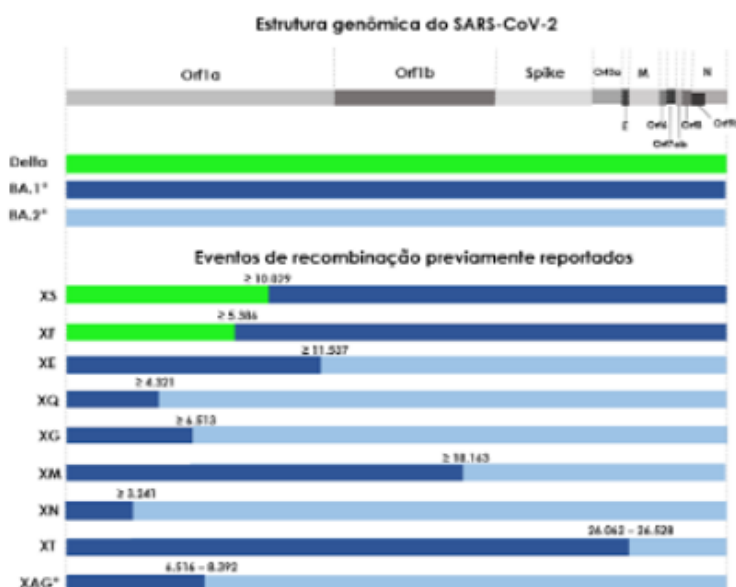
Recombinantes encontradas no Brasil no período de fevereiro a junho de 2022

Distribuição das amostras recombinantes por estado



XAG* - recombinante descrita primeiramente no Brasil (Pango Issues #709)

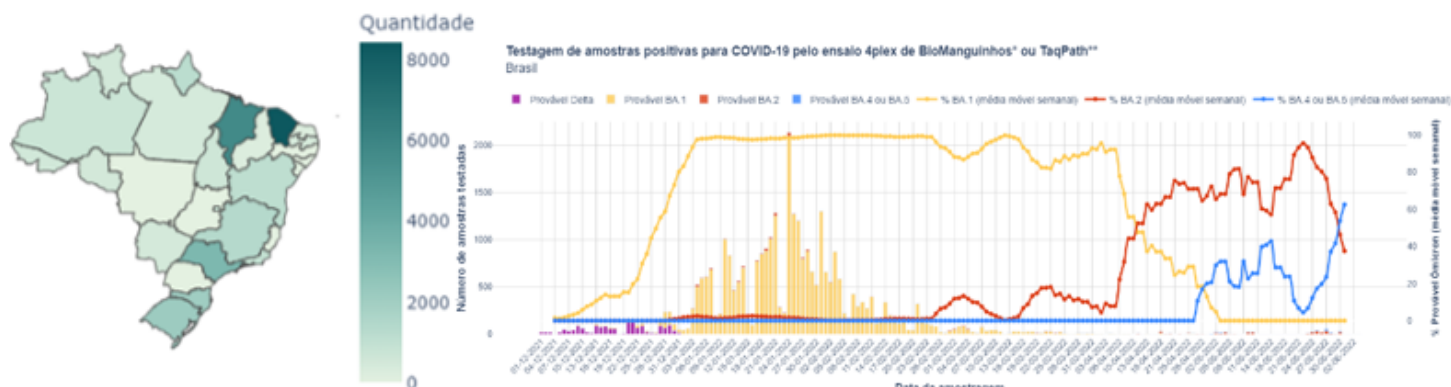
Estrutura do vírus SARS-CoV-2 e os perfis de recombinação já descritos na literatura



Resultados da aplicação de Testes de Inferência de VOCs pela metodologia de RT-PCR em Tempo Real no Brasil

Testes aplicados em 21 Unidades Federativas entre dezembro de 2021 e 05 de junho de 2022

Total de Amostras Triadas: **31.835** em todo o Brasil



Média móvel semanal:
0% provável BA.1
37,5% provável BA.2
62,5% provável BA.a ou BA.5